

Tabla S1. Sondas de oligonucleótidos usadas en este estudio

Sonda	Secuencia (5´-3´)	Blanco en el rRNA (posición de anillamiento)*	Especificidad	(%) Formamida/ Concentración de NaCl (mM)	Referencia
EUB338	GCTGCCTCCCGTAG GAGT	16S, (338-355)	Mayoría domino <i>Bacteria</i>	35/80	Amann <i>et al.</i> 1990
ARCH915	GTGCTCCCCCGCC AATTCCT	16S, (915-934)	Mayoría dominio <i>Archaea</i>	20/225	Stahl & Amann 1991
ALF968	GGTAAGGTTCTGCG CGTT	16S, (968)	<i>Alphaproteobacteria</i>	20/225	Weisse, 1993
BET42a	GCC TTC CCA CTT CGT TT	23S, (1027-1043)	<i>Betaproteobacteria</i>	35/80	Manz <i>et al.</i> , 1992.
GAM42a	GCCTTCCCACATCG TTT	23S, (1027-1043)	<i>Gammaproteobacteri</i> a	35/80	Manz <i>et al.</i> 1992.
NON338	ACTCCTACGGGAG GCAGC	-	Control negativo	35/80	Amann <i>et al.</i> , 1990

*Los números hacen referencia a la numeración realizada en *Escherichia coli* (Brosius *et al.*, 1981).